

**ФИО**

**Пол:** Муж  
**Возраст:** 31 год  
ИНЗ: 999999999  
Дата взятия образца: 02.05.2021 08:58  
Дата поступления образца: 03.05.2021 23:51  
Врач: 08.05.2021 01:30  
Дата печати результата: 25.05.2021 18:57

Исследование	Результат	Комментарий
Андрофлор Скрин (соскоб (уретра))	<b>СМ. КОММ</b>	Результат исследования прилагается на отдельном бланке

Комментарии к заявке:

Локализация: Соскоб эпителиальных клеток уретральный

**Внимание!** В электронном экземпляре бланка название исследования содержит ссылку на страницу сайта <http://www.invitro.ru/c> с описанием исследования.

Результаты исследований не являются диагнозом, необходима консультация специалиста.

М.П. / Подпись врача

**Исследование микрофлоры урогенитального тракта мужчин  
методом ПЦР в режиме реального времени**

**Андрофлор\_S\_A**

ПОЛ:

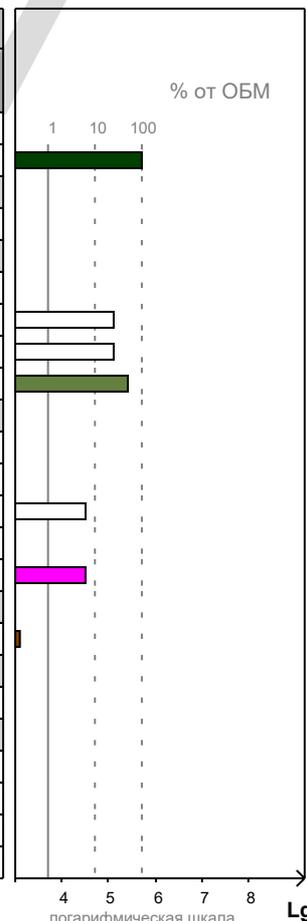
Возраст:

ИНЗ:

Дата взятия образца: 02.05.2021 02:58

Дата печати результата: 07.05.2021 19:45

№	Название исследования	Результат	
		Количественный	Относительный Lg(X/ОБМ)
	Геномная ДНК человека	10 5.2	<input type="checkbox"/>
1	Общая бактериальная масса	10 5.7	<input type="checkbox"/>
Транзиторная микрофлора			
2	Lactobacillus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
Нормофлора			
3	Staphylococcus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
4	Streptococcus spp.	10 5.1	-0.6 (21-29%)
5	Corynebacterium spp.	10 5.1	-0.6 (21-29%)
	Сумма: Нормофлора	10 5.4	-0.3 (43-58%)
УГМ, ассоциированные с баквагинозом			
6	Gardnerella vaginalis	не выявлено	<input type="checkbox"/>
7	Ureaplasma urealyticum *	не выявлено	<input type="checkbox"/>
8	Ureaplasma parvum *	10 4.5	<input checked="" type="checkbox"/>
9	Mycoplasma hominis *	не выявлено	<input type="checkbox"/>
	Сумма: УГМ, ассоциированные с баквагинозом	10 4.5	-1.2 ( 5- 7%)
УГМ Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.			
10	Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.	10 3.1	-2.6 (0.2-0.3%)
Дрожжевые грибы			
11	Candida spp. *	не выявлено	<input type="checkbox"/>
Патогены			
12	Mycoplasma genitalium **	не выявлено	<input type="checkbox"/>
13	Trichomonas vaginalis **	не выявлено	<input type="checkbox"/>
14	Neisseria gonorrhoeae **	не выявлено	<input type="checkbox"/>
15	Chlamydia trachomatis **	не выявлено	<input type="checkbox"/>



\* Абсолютный анализ Lg(X) \*\* Качественный анализ \*\*\* Ниже порогового значения

**Заключение**

ДНК патогенных микроорганизмов не выявлена.

ДНК дрожжевых грибов Candida spp. не выявлена.

Структура бактериального микробиома не соответствует норме: умеренное снижение нормальной микрофлоры не пропорционально отсутствию/незначительному увеличению условно-патогенной микрофлоры.

# Исследование микрофлоры уrogenитального тракта мужчин методом ПЦР в режиме реального времени Андрофлор®, Андрофлор® Скрин

## Описание бланка результатов

Исследование проводится методом полимеразной цепной реакции в режиме реального времени. С целью этиологической диагностики инфекционно-воспалительных заболеваний мочеполовой системы мужчин в анализируемом биоматериале одновременно выполняют:

- определение наличия/отсутствия патогенов: *Neisseria gonorrhoeae*, *Chlamydia trachomatis*, *Mycoplasma genitalium*, *Trichomonas vaginalis*;

- количественную оценку всех бактерий (общая бактериальная масса - ОБМ), нормофлоры и условно-патогенных микроорганизмов; Термин "УПМ, ассоциированные с баквагинозом" используют для обозначения группы микроорганизмов, впервые выявленных у женщин. В настоящее время доказана роль этих микроорганизмов в развитии уrogenитальных заболеваний у мужчин\*.

- количественную оценку грибов рода *Candida*.

Количественные результаты исследования представлены в геном-эквивалентах (ГЭ), значения которых пропорциональны микробной обсемененности уrogenитального биотопа. Абсолютные значения ГЭ приводятся в столбце бланка «Результаты. Количественный».

Относительные показатели представлены в столбце бланка «Результаты. Относительный» в двух форматах: в виде разницы абсолютных значений каждого из показателей и ОБМ (Lg10) и в процентах (%) от ОБМ. Значения показателей в процентах (%), традиционном формате для количественных данных, приведены справочно, однако в расчетном алгоритме заключения они не используются, суммировать проценты (%) некорректно.

Для дрожжеподобных грибов и микоплазм (*Ureaplasma urealyticum*, *Ureaplasma parvum*, *Mycoplasma hominis*) выдаются только абсолютные значения.

При формировании заключения используются показатели соотношений разных микроорганизмов/групп микроорганизмов с ОБМ и между собой, которые характеризуют состояние биоценоза.

Для удобства трактовки результатов\*\* в таблице использована цветовая маркировка. В зависимости от измеряемого параметра маркеры обозначают следующее:

**Контрольные показатели** (геномная ДНК человека, общая бактериальная масса, *Lactobacillus* spp.):



- соответствие критериям



- не соответствие критериям

**Нормофлора:**



- соответствие критериям нормы



- умеренное отклонение от критериев нормы



- выраженное отклонение от критериев нормы

**УПМ и дрожжеподобные грибы:**



- соответствие критериям нормы



- умеренное отклонение от критериев нормы



- выраженное отклонение от критериев нормы

**Патогены:**



- не выявлено



- обнаружено

Дополнительно, с целью визуализации, результаты исследования представлены на гистограмме в процентном/логарифмическом форматах.

\* *Honer PJ et al. 2016 European guideline on the management of non-gonococcal urethritis. Int J STD AIDS, 2016 Oct;27(11):928-37.*

\*\* более подробно алгоритм трактовки результатов представлен на <http://www.dna-technology.ru>.