

ФИО

Пол: Муж
Возраст: 4 месяца
ИНЗ: 999999999
Дата взятия образца: 25.05.2023
Дата поступления образца: 26.05.2023
Врач: 29.05.2023
Дата печати результата: 20.06.2023

Исследование	Результат	Комментарий
Энтерофлор	СМ. КОММ	Результат исследования прилагается на отдельном бланке.

Комментарии к заявке:

Локализация: Кал

Метод исследования: ПЦР с детекцией в режиме реального времени (Real-time PCR)

Внимание! В электронном экземпляре бланка название исследования содержит ссылку на страницу сайта с описанием исследования. www.invitro.ru

Результаты исследований не являются диагнозом, необходима консультация специалиста.

М.П. / Подпись врача

ЭНТЕРОФЛОР® ДЕТИ
Результат исследования

ФИО:

ПОЛ: мужской

ДАТА РОЖДЕНИЯ: 01.01.2023

ДАТА ВЗЯТИЯ БИОМАТЕРИАЛА: 25.05.2023

ИДЕНТИФИКАТОР КОНТЕЙНЕРА: 999999999999

ВРАЧ:

СОСТОЯНИЕ МИКРОБИОТЫ КИШЕЧНИКА

Доля нормальной микробиоты снижена – **78.9%**. Общее количество бифидобактерий в пределах нормы – **7.7 Lg (ГЭ/г)***. Таксономическое разнообразие нормальной микробиоты в пределах нормы – **7**. Разнообразие метаболически активных «детских» видов бифидобактерий в пределах нормы – **3**. Доля метаболически активных «детских» видов бифидобактерий в пределах нормы** – **100.0%**. Доля метаболически активных видов бифидобактерий в пределах нормы – **более 10%**. Количество представителей *Lactobacillaceae* в пределах нормы – **4.3 Lg (ГЭ/г)***. Доля условно-патогенной микробиоты увеличена – **21.1%**. Присутствуют потенциально патогенные представители *Enterobacterales*. Выявлен(-ы) ген метициллинрезистентности *Staphylococcus spp, Staphylococcus aureus* в количестве, превышающем пороговое значение. Дрожжевые грибы не выявлены.

ВАЖНО: интерпретация результатов должна производиться строго лечащим врачом

ПОКАЗАТЕЛЬ	РЕЗУЛЬТАТ	РЕФЕРЕНТНЫЙ ИНТЕРВАЛ	ЕДИНИЦА ИЗМЕРЕНИЯ
Общее количество бактерий (ОБМ)	9.2*	> 6	Lg (ГЭ/г)
Нормальная микробиота			
доля	78.9	≥ 80	%
разнообразие, количество таксонов	7	≥ 4	шт
<i>Bifidobacterium spp.</i>			
общее количество	7.7*	> 5.3	Lg (ГЭ/г)
метаболически активные виды, доля	> 10	≥ 10	%
метаболически активные «детские» виды, доля**	100.0	> 5	%
метаболически активные «детские» виды, разнообразие	3	≥ 2	шт
<i>Lactobacillaceae</i>, количество	4.3*	> 0.0	Lg (ГЭ/г)
<i>Bacteroidetes</i>, наличие	Не оценивается в данном возрасте		
<i>Firmicutes/Bacteroidetes</i>, соотношение	Не оценивается		
Дрожжевые грибы, количество	0.0*	< 4.8	Lg (ГЭ/г)
Условно-патогенная микробиота (патобионты), доля	21.1	< 20	%
Маркеры патогенности и резистентности, наличие			
патогенные представители <i>Enterobacterales</i>	ВЫЯВЛЕНО	не выявлено	
<i>Clostridioides difficile</i>	Не оценивается в данном возрасте		
<i>tcdA, tcdB</i>	Не оценивается в данном возрасте		
<i>Staphylococcus aureus</i>	ВЫЯВЛЕНО	не выявлено	
<i>mecA</i>	ВЫЯВЛЕНО	не выявлено	
<i>Streptococcus agalactiae c srr2</i>	Не оценивается в данном возрасте		
<i>Candida albicans</i>	не выявлено	не выявлено	

Дата выполнения исследования: 27.05.2023

Исследование выполнил _____ (ФИО)

* приведены значения Lg X – означает 10^X

** указано значение доли от суммы метаболически активных бифидобактерий

ПОКАЗАТЕЛЬ	РЕЗУЛЬТАТ		РЕЗУЛЬТАТ	
	АБСОЛЮТНЫЙ, Lg (ГЭ/г кала)*		ОТНОСИТЕЛЬНЫЙ, %	
	Значение*	Референтный интервал	Значение	Референтный интервал
Общее количество бактерий	9.2	> 6		
НОРМАЛЬНАЯ МИКРОБИОТА	8.5	7 - 10.2	78.9	80 - 100
Actinobacteria				
Bifidobacterium spp	7.7	3.0 - 10.1	13.8	25.7 - 98.3
Метаболически активные виды бифидобактерий, доля			> 10	≥ 10
Метаболически активные «детские» виды**	7.4	5.0 - 8.6	100.0	> 5
Bifidobacterium longum subsp. infantis	4.6		0.2	
Bifidobacterium longum subsp. longum	-		-	
Bifidobacterium bifidum	7.2		61.2	
Bifidobacterium breve	7.0		38.6	
Метаболически активные «взрослые» виды**	-	0.0 - 6.6	-	0 - 40
Bifidobacterium adolescentis	-		-	
Bifidobacterium catenulatum ssp	-		-	
Bifidobacterium animalis subsp. lactis	-		-	
Bifidobacterium dentium	-		-	
Coriobacteriia	7.1	0.0 - 8.8	3.5	0.0 - 5.0
Firmicutes				
Clostridium leptum gr	6.7	0.0 - 8.4	1.4	0.0 - 5.7
Dialister+Allisonella+Megasphaera+Veillonella	7.1	0.0 - 8.7	3.5	0.0 - 10.0
Faecalibacterium prausnitzii	-	0.0 - 5.7	-	0.0 - 0.1
Lachnospiraceae	8.3	0.0 - 9.6	55.0	0.0 - 47.1
Lactobacillaceae	4.3	0.0 - 7.8	< 0.1	0.0 - 5.0
Streptococcus spp	6.8	5.1 - 8.6	1.7	0.0 - 20.0
Lactococcus lactis	-	0.0 - 6.0	-	0.0 - 1.0
Bacteroidetes				
Alistipes spp	-	0.0 - 5.8	-	0.0 - 0.1
Bacteroides spp	-	0.0 - 9.4	-	0.0 - 26.2
Butyricimonas spp	-	0.0 - 4.2	-	0.0 - 0.1
Parabacteroides spp	-	0.0 - 8.4	-	0.0 - 4.7
Prevotella spp	-	0.0 - 6.5	-	0.0 - 1.0
Другие бактерии				
Akkermansia muciniphila	-	0.0 - 8.5	-	0.0 - 8.0
Desulfovibrio spp	-	0.0 - 4.5	-	0.0 - 0.1
Methanobrevibacter spp	-	0.0	-	0.0 - 1.0
Разнообразие, количество таксонов:	7	≥ 4		
Соотношение Firmicutes/Bacteroidetes:	-	≥ 1.5		
УСЛОВНО-ПАТОГЕННАЯ МИКРОБИОТА (ПАТОБИОНТЫ)	7.9	6 - 9.3	21.1	0 - 20
Clostridium difficile gr	6.0	0.0 - 7.8	0.3	0.0 - 5.0
Clostridium perfringens gr	6.7	0.0 - 8.1	1.4	0.0 - 6.0
Enterobacterales	7.3	6.9 - 9.2	5.5	0.0 - 20.0
E.coli	-	4.1 - 8.1	-	0.0 - 10.0
Enterococcus spp	7.7	5.6 - 8.5	13.8	0.0 - 11.0
Erysipelotrichaceae	-	0.0 - 8.5	-	0.0 - 6.9
Fusobacteriaceae	-	0.0 - 5.9	-	0.0 - 0.1
Peptoniphilaceae	5.2	0.0 - 6.7	< 0.1	0.0 - 1.0
Pseudomonas spp	-	0.0 - 5.0	-	0.0 - 0.1
Staphylococcus spp	4.9	0.0 - 6.3	< 0.1	0.0 - 1.0
МАРКЕРЫ ПАТОГЕННОСТИ И РЕЗИСТЕНТНОСТИ				
Clostridioides difficile	5.7	0.0 - 6.0	0.1	0.0 - 0.1
tcdA tcdB	-		-	
Staphylococcus aureus	4.8	0.0 - 5.8	< 0.1	0.0 - 0.1
mecA	3.3			
Streptococcus agalactiae	-	0.0 - 5.0	-	0.0 - 0.1
srr2	-		-	
ДРОЖЖЕВЫЕ ГРИБЫ				
Candida spp	-	0.0 - 4.8		
C.albicans	-	0.0		

* приведены значения Lg X – означает 10^x

** указано значение доли от суммы метаболически активных бифидобактерий