

ФИО

Пол: Муж
Возраст: 33 года
ИНЗ: 999999999
Дата взятия образца: 26.09.2022
Дата поступления образца: 26.09.2022
Врач: 27.09.2022
Дата печати результата: 27.09.2022

Исследование	Результат	Комментарий
Андрофлор (секр.предст.железы)	СМ. КОММ	Результат исследования прилагается на отдельном бланке

Комментарии к заявке:

Локализация: Секрет простаты, ПЦР

Внимание! В электронном экземпляре бланка название исследования содержит ссылку на страницу сайта <http://www.invitro.ru/> с описанием исследования.

Результаты исследований не являются диагнозом, необходима консультация специалиста.



М.П. / Подпись врача

Исследование микрофлоры урогенитального тракта мужчин методом ПЦР в режиме реального времени

Андрофлор®

ФИО

Пол: Муж

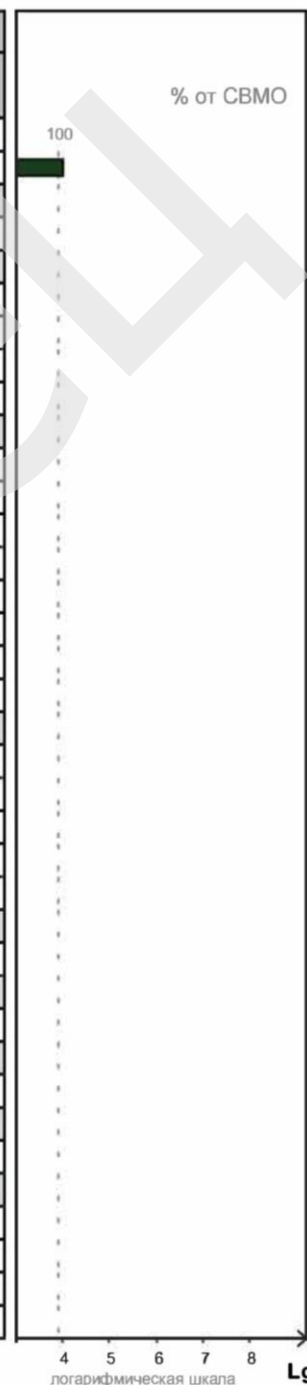
Возраст: 33 года

ИНЗ: 999999999

Дата взятия образца: 26.09.2022

Дата печати результата: 27.09.2022

№	Название исследования	Результат	
		Количественный	Относительный Lg(X/CВМО)
	Геномная ДНК человека	10 3.6 <input type="checkbox"/>	
1	Общая бактериальная масса	10 4.0 <input type="checkbox"/>	
Транзиторная микрофлора			
2	Lactobacillus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
Нормофлора			
3	Staphylococcus spp.	не выявлено	
4	Streptococcus spp.	10 4.1	
5	Corynebacterium spp.	не выявлено	
	Сумма: Нормофлора	10 4.1	<input type="checkbox"/>
УПМ, ассоциированные с баквагинозом			
6	Gardnerella vaginalis	не выявлено	<input type="checkbox"/>
7	Megasphaera spp. / Veillonella spp. / Dialister spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
8	Sneathia spp. / Leptotrichia spp. / Fusobacterium spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
9	Ureaplasma urealyticum *	не выявлено <input type="checkbox"/>	
10	Ureaplasma parvum *	не выявлено <input type="checkbox"/>	
11	Mycoplasma hominis *	не выявлено <input type="checkbox"/>	
12	Atopobium cluster	не выявлено	<input type="checkbox"/>
	Сумма: УПМ, ассоциированные с баквагинозом	не выявлено	<input type="checkbox"/>
УПМ анаэробы			
13	Bacteroides spp. / Porphyromonas spp. / Prevotella spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
14	Anaerococcus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
15	Peptostreptococcus spp. / Parvimonas spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
16	Eubacterium spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
	Сумма: УПМ анаэробы	не выявлено	<input type="checkbox"/>
УПМ Haemophilus spp.			
17	Haemophilus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
УПМ Pseudomonas aeruginosa / Ralstonia spp. / Burkholderia spp.			
18	Pseudomonas aeruginosa / Ralstonia spp. / Burkholderia spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
УПМ Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.			
19	Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
Дрожжевые грибы			
20	Candida spp. *	ниже ПЗ *** <input type="checkbox"/>	
Патогены			
21	Mycoplasma genitalium **	не выявлено <input type="checkbox"/>	
22	Trichomonas vaginalis **	не выявлено <input type="checkbox"/>	
23	Neisseria gonorrhoeae **	не выявлено <input type="checkbox"/>	
24	Chlamydia trachomatis **	не выявлено <input type="checkbox"/>	



* Абсолютный анализ Lg(X) ** Качественный анализ *** Ниже порогового значения

Заключение

ДНК патогенных микроорганизмов не выявлена.

Candida spp. ниже порогового значения.

Структура бактериального микробиома соответствует норме.

Исследование выполнил:

Дата:

Подпись:

Исследование микрофлоры урогенитального тракта мужчин методом ПЦР в режиме реального времени Андрофлор[®], Андрофлор[®] Скрин

Описание бланка результатов

Исследование проводится методом полимеразной цепной реакции в режиме реального времени. С целью этиологической диагностики инфекционно-воспалительных заболеваний мочеполовой системы мужчин в анализируемом биоматериале одновременно выполняют:

- определение наличия/отсутствия патогенов: *Neisseria gonorrhoeae*, *Chlamydia trachomatis*, *Mycoplasma genitalium*, *Trichomonas vaginalis*;
- количественную оценку всех бактерий (общая бактериальная масса - ОБМ), нормофлоры и условно-патогенных микроорганизмов; Термин "УПМ, ассоциированные с баквагинозом" используют для обозначения группы микроорганизмов, впервые выявленных у женщин. В настоящее время доказана роль этих микроорганизмов в развитии урогенитальных заболеваний у мужчин*.
- количественную оценку грибов рода *Candida*.

Количественные результаты исследования представлены в геном-эквивалентах (ГЭ), значения которых пропорциональны микробной обсемененности урогенитального биотопа. Абсолютные значения ГЭ приводятся в столбце бланка «Результаты. Количественный».

Относительные показатели представлены в столбце бланка «Результаты. Относительный» в двух форматах: в виде разницы абсолютных значений каждого из показателей и ОБМ (Lg10) и в процентах (%) от ОБМ. Значения показателей в процентах (%), традиционном формате для количественных данных, приведены справочно, однако в расчетном алгоритме заключения они не используются, суммировать проценты (%) некорректно.

Для дрожжеподобных грибов и микоплазм (*Ureaplasma urealyticum*, *Ureaplasma parvum*, *Mycoplasma hominis*) выдаются только абсолютные значения.

При формировании заключения используются показатели соотношений разных микроорганизмов/групп микроорганизмов с ОБМ и между собой, которые характеризуют состояние биоценоза.

Для удобства трактовки результатов** в таблице использована цветовая маркировка. В зависимости от измеряемого параметра маркеры обозначают следующее:

Контрольные показатели (геномная ДНК человека, общая бактериальная масса, *Lactobacillus* spp.):

- соответствие критериям
- несоответствие критериям

Нормофлора:

- соответствие критериям нормы
- умеренное отклонение от критериев нормы
- выраженное отклонение от критериев нормы

УПМ и дрожжеподобные грибы:

- соответствие критериям нормы
- умеренное отклонение от критериев нормы
- выраженное отклонение от критериев нормы

Патогены:

- не выявлено
- обнаружено

Дополнительно, с целью визуализации, результаты исследования представлены на гистограмме в процентном/логарифмическом форматах.

* Horner PJ et al. 2016 European guideline on the management of non-gonococcal urethritis. *Int J STD AIDS*, 2016 Oct;27(11):928-37.

** более подробно алгоритм трактовки результатов представлен на <http://www.dna-technology.ru>