

ФИО

Пол: Муж
Возраст: 50 лет
ИНЗ: 999999999
Дата взятия образца: 01.05.2021 11:38
Дата поступления образца: 02.05.2021 11:09
Врач: 04.05.2021 17:25
Дата печати результата: 25.05.2021 15:12

Исследование	Результат	Комментарий
Андрофлор (уретр.соскоб)	СМ. КОММ	Результат исследования прилагается на отдельном бланке

Комментарии к заявке:

Локализация: Соскоб эпителиальных клеток уретральный

Внимание! В электронном экземпляре бланка название исследования содержит ссылку на страницу сайта <http://www.invitro.ru> с описанием исследования.

Результаты исследований не являются диагнозом, необходима консультация специалиста.

М.П. / Подпись врача

Исследование микрофлоры урогенитального тракта мужчин методом ПЦР в режиме реального времени

Андрофлор®_А

ПОЛ:

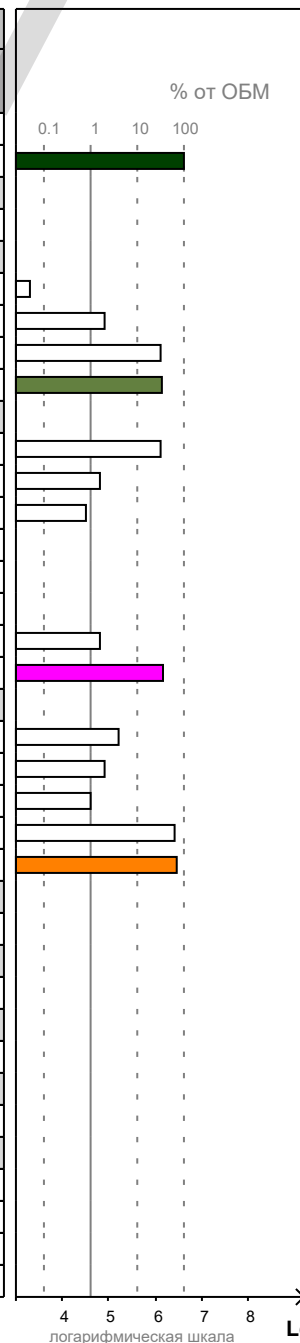
Возраст:

ИНЗ:

Дата взятия образца: 01.05.2021 09:38

Дата печати результата: 04.05.2021 15:30

№	Название исследования	Результат	
		Количественный	Относительный Lg(X/ОБМ)
	Геномная ДНК человека	10 4.6	<input type="checkbox"/>
1	Общая бактериальная масса	10 6.6	<input type="checkbox"/>
Транзиторная микрофлора			
2	Lactobacillus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
Нормофлора			
3	Staphylococcus spp.	10 3.3	-3.3 (<0.1%)
4	Streptococcus spp.	10 4.9	-1.7 (1.7-2.3%)
5	Corynebacterium spp.	10 6.1	-0.5 (27-36%)
	Сумма: Нормофлора	10 6.1	-0.5 (29-39%)
УГМ, ассоциированные с баквагинозом			
6	Gardnerella vaginalis	10 6.1	-0.5 (27-36%)
7	Megasphaera spp. / Veillonella spp. / Dialister spp.	10 4.8	-1.8 (1.3-1.8%)
8	Sneathia spp. / Leptotrichia spp. / Fusobacterium spp.	10 4.5	-2.1 (0.7-0.9%)
9	Ureaplasma urealyticum *	не выявлено	<input type="checkbox"/>
10	Ureaplasma parvum *	не выявлено	<input type="checkbox"/>
11	Mycoplasma hominis *	не выявлено	<input type="checkbox"/>
12	Atopobium cluster	10 4.8	-1.8 (1.3-1.8%)
	Сумма: УГМ, ассоциированные с баквагинозом	10 6.2	-0.4 (30-41%)
УГМ анаэробы			
13	Bacteroides spp. / Porphyromonas spp. / Prevotella spp.	10 5.2	-1.4 (3-5%)
14	Anaerococcus spp.	10 4.9	-1.7 (1.7-2.3%)
15	Peptostreptococcus spp. / Parvimonas spp.	10 4.6	-2.0 (0.8-1.1%)
16	Eubacterium spp.	10 6.4	-0.2 (54-73%)
	Сумма: УГМ анаэробы	10 6.4	-0.2 (60-81%)
УГМ Haemophilus spp.			
17	Haemophilus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
УГМ Pseudomonas aeruginosa / Ralstonia spp. / Burkholderia spp.			
18	Pseudomonas aeruginosa / Ralstonia spp. / Burkholderia spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
УГМ Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.			
19	Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
Дрожжевые грибы			
20	Candida spp. *	не выявлено	<input type="checkbox"/>
Патогены			
21	Mycoplasma genitalium **	не выявлено	<input type="checkbox"/>
22	Trichomonas vaginalis **	не выявлено	<input type="checkbox"/>
23	Neisseria gonorrhoeae **	не выявлено	<input type="checkbox"/>
24	Chlamydia trachomatis **	не выявлено	<input type="checkbox"/>



* Абсолютный анализ Lg(X) ** Качественный анализ *** Ниже порогового значения

Заключение

ДНК патогенных микроорганизмов не выявлена.

ДНК дрожжевых грибов Candida spp. не выявлена.

Структура бактериального микробиома не соответствует норме: баланс нормальной и условно-патогенной микрофлоры умеренно нарушен

Исследование микрофлоры уrogenитального тракта мужчин методом ПЦР в режиме реального времени Андрофлор®, Андрофлор® Скрин

Описание бланка результатов

Исследование проводится методом полимеразной цепной реакции в режиме реального времени. С целью этиологической диагностики инфекционно-воспалительных заболеваний мочеполовой системы мужчин в анализируемом биоматериале одновременно выполняют:

- определение наличия/отсутствия патогенов: *Neisseria gonorrhoeae*, *Chlamydia trachomatis*, *Mycoplasma genitalium*, *Trichomonas vaginalis*;

- количественную оценку всех бактерий (общая бактериальная масса - ОБМ), нормофлоры и условно-патогенных микроорганизмов; Термин "УПМ, ассоциированные с баквагинозом" используют для обозначения группы микроорганизмов, впервые выявленных у женщин. В настоящее время доказана роль этих микроорганизмов в развитии уrogenитальных заболеваний у мужчин*.

- количественную оценку грибов рода *Candida*.

Количественные результаты исследования представлены в геном-эквивалентах (ГЭ), значения которых пропорциональны микробной обсемененности уrogenитального биотопа. Абсолютные значения ГЭ приводятся в столбце бланка «Результаты. Количественный».

Относительные показатели представлены в столбце бланка «Результаты. Относительный» в двух форматах: в виде разницы абсолютных значений каждого из показателей и ОБМ (Lg10) и в процентах (%) от ОБМ. Значения показателей в процентах (%), традиционном формате для количественных данных, приведены справочно, однако в расчетном алгоритме заключения они не используются, суммировать проценты (%) некорректно.

Для дрожжеподобных грибов и микоплазм (*Ureaplasma urealyticum*, *Ureaplasma parvum*, *Mycoplasma hominis*) выдаются только абсолютные значения.

При формировании заключения используются показатели соотношений разных микроорганизмов/групп микроорганизмов с ОБМ и между собой, которые характеризуют состояние биоценоза.

Для удобства трактовки результатов** в таблице использована цветовая маркировка. В зависимости от измеряемого параметра маркеры обозначают следующее:

Контрольные показатели (геномная ДНК человека, общая бактериальная масса, *Lactobacillus* spp.):



- соответствие критериям



- не соответствие критериям

Нормофлора:



- соответствие критериям нормы



- умеренное отклонение от критериев нормы



- выраженное отклонение от критериев нормы

УПМ и дрожжеподобные грибы:



- соответствие критериям нормы



- умеренное отклонение от критериев нормы



- выраженное отклонение от критериев нормы

Патогены:



- не выявлено



- обнаружено

Дополнительно, с целью визуализации, результаты исследования представлены на гистограмме в процентном/логарифмическом форматах.

* *Honer PJ et al. 2016 European guideline on the management of non-gonococcal urethritis. Int J STD AIDS, 2016 Oct;27(11):928-37.*

** более подробно алгоритм трактовки результатов представлен на <http://www.dna-technology.ru>.