

**ФИО**

**Пол:** Муж  
**Возраст:** 28 лет  
ИНЗ: 999999999  
Дата взятия образца: 26.09.2022  
Дата поступления образца: 26.09.2022  
Врач: 27.09.2022  
Дата печати результата: 27.09.2022

Исследование	Результат	Комментарий
Андрофлор Скрин (эякулят)	<b>СМ. КОММ</b>	Результат исследования прилагается на отдельном бланке

Комментарии к заявке:

Локализация: Эякулят, ПЦР

**Внимание!** В электронном экземпляре бланка название исследования содержит ссылку на страницу сайта <http://www.invitro.ru/> с описанием исследования.

Результаты исследований не являются диагнозом, необходима консультация специалиста.



М.П. / Подпись врача

## Исследование микрофлоры урогенитального тракта мужчин методом ПЦР в режиме реального времени

### Андрофлор® Скрин

**ФИО**

**Пол:**

**Муж**

**Возраст:**

**28 лет**

**ИНЗ:**

999999999

**Дата взятия образца:**

26.09.2022

**Дата печати результата:**

27.09.2022

№	Название исследования	Результат	
		Количественный	Относительный Lg(X/ОБМ)
	Геномная ДНК человека	10 3.7	<input type="checkbox"/>
1	Общая бактериальная масса	10 3.4	<input type="checkbox"/>
Транзиторная микрофлора			
2	Lactobacillus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
Нормофлора			
3	Staphylococcus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
4	Streptococcus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
5	Corynebacterium spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
	Сумма: Нормофлора	не выявлено	<input type="checkbox"/>
УПМ, ассоциированные с баквагинозом			
6	Gardnerella vaginalis	не выявлено	<input type="checkbox"/>
7	Ureaplasma urealyticum *	не выявлено	<input type="checkbox"/>
8	Ureaplasma parvum *	не выявлено	<input type="checkbox"/>
9	Mycoplasma hominis *	не выявлено	<input type="checkbox"/>
	Сумма: УПМ, ассоциированные с баквагинозом	не выявлено	<input type="checkbox"/>
УПМ Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.			
10	Enterobacteriaceae spp. / Enterococcus spp.	не выявлено	<input type="checkbox"/>
Дрожжевые грибы			
11	Candida spp. *	ниже ПЗ ***	<input type="checkbox"/>
Патогены			
12	Mycoplasma genitalium **	не выявлено	<input type="checkbox"/>
13	Trichomonas vaginalis **	не выявлено	<input type="checkbox"/>
14	Neisseria gonorrhoeae **	не выявлено	<input type="checkbox"/>
15	Chlamydia trachomatis **	не выявлено	<input type="checkbox"/>

\* Абсолютный анализ Lg(X) \*\* Качественный анализ \*\*\* Ниже порогового значения

100  
% от ОБМ  
логарифмическая шкала Lg

### Заключение

ДНК патогенных микроорганизмов не выявлена.

Candida spp. ниже порогового значения.

Структура бактериального микробиома соответствует норме.

Исследование выполнил:

Дата:

Подпись:

## Исследование микрофлоры урогенитального тракта мужчин методом ПЦР в режиме реального времени Андрофлор<sup>®</sup>, Андрофлор<sup>®</sup> Скрин

### Описание бланка результатов

Исследование проводится методом полимеразной цепной реакции в режиме реального времени. С целью этиологической диагностики инфекционно-воспалительных заболеваний мочеполовой системы мужчин в анализируемом биоматериале одновременно выполняют:

- определение наличия/отсутствия патогенов: *Neisseria gonorrhoeae*, *Chlamydia trachomatis*, *Mycoplasma genitalium*, *Trichomonas vaginalis*;
- количественную оценку всех бактерий (общая бактериальная масса - ОБМ), нормофлоры и условно-патогенных микроорганизмов; Термин "УПМ, ассоциированные с баквагинозом" используют для обозначения группы микроорганизмов, впервые выявленных у женщин. В настоящее время доказана роль этих микроорганизмов в развитии урогенитальных заболеваний у мужчин\*.
- количественную оценку грибов рода *Candida*.

Количественные результаты исследования представлены в геном-эквивалентах (ГЭ), значения которых пропорциональны микробной обсемененности урогенитального биотопа. Абсолютные значения ГЭ приводятся в столбце бланка «Результаты. Количественный».

Относительные показатели представлены в столбце бланка «Результаты. Относительный» в двух форматах: в виде разницы абсолютных значений каждого из показателей и ОБМ (Lg10) и в процентах (%) от ОБМ. Значения показателей в процентах (%), традиционном формате для количественных данных, приведены справочно, однако в расчетном алгоритме заключения они не используются, суммировать проценты (%) некорректно.

Для дрожжеподобных грибов и микоплазм (*Ureaplasma urealyticum*, *Ureaplasma parvum*, *Mycoplasma hominis*) выдаются только абсолютные значения.

При формировании заключения используются показатели соотношений разных микроорганизмов/групп микроорганизмов с ОБМ и между собой, которые характеризуют состояние биоценоза.

Для удобства трактовки результатов\*\* в таблице использована цветовая маркировка. В зависимости от измеряемого параметра маркеры обозначают следующее:

**Контрольные показатели** (геномная ДНК человека, общая бактериальная масса, *Lactobacillus* spp.):

- соответствие критериям
- несоответствие критериям

### Нормофлора:

- соответствие критериям нормы
- умеренное отклонение от критериев нормы
- выраженное отклонение от критериев нормы

### УПМ и дрожжеподобные грибы:

- соответствие критериям нормы
- умеренное отклонение от критериев нормы
- выраженное отклонение от критериев нормы

### Патогены:

- не выявлено
- обнаружено

Дополнительно, с целью визуализации, результаты исследования представлены на гистограмме в процентном/логарифмическом форматах.

\* Horner PJ et al. 2016 European guideline on the management of non-gonococcal urethritis. *Int J STD AIDS*, 2016 Oct;27(11):928-37.

\*\* более подробно алгоритм трактовки результатов представлен на <http://www.dna-technology.ru>